

Genetické varianty asociované s mnoha fenotypy/chorobami

Studie se snaží identifikovat genetické varianty asociované s mnoha fenotypy srovnáváním dat celogenomových asociačních studií zaměřených na 42 znaků či chorob. Autoři popisují 341 lokusů, které stojí v pozadí hned několika chorob současně. Tyto lokusy záhy posloužili k určení znaků neboli chorob, které mají společné genetické pozadí. Například genetické varianty spojené s rizikem schizofrenie také zvyšují riziko zánětlivého onemocnění střev. Autoři také vyvinuli metodu, která slouží k odhalení dvojic znaků či chorob se společným kauzálním genetickým základem.

[Detection and interpretation of shared genetic influences on 42 human traits](#)

Nature Genetics, Volume 48, Number 7, July 2016



Image courtesy of rajcreationzs
/ FreeDigitalPhotos.net

Top Articles:

- [Genome variation in precision medicine](#)
- [Perhaps a wee bit of sugar would help](#)
- [Landscape of tumor-infiltrating T cell repertoire of human cancers](#)