

**GWAS studie SLE**

Systémový lupus (SLE) má silné, ale neúplně prozkoumané genetické pozadí. Asociační studie souboru 4478 pacientů trpících SLE a 12656 kontrol asijské populace odhalila a potvrdila 20 nových signifikantních lokusů ve vztahu s patologií SLE. Pomocí analýzy epigenetických markerů a genové exprese autoři také identifikovali funkční varianty daných lokusů, které jsou zapojeny především do biologie B a T lymfocytů. Výsledky představují do budoucni potenciální terapeutický cíl.

[High-density genotyping of immune related loci identifies new SLE risk variants in individuals with Asian ancestry](#)

*Nature Genetics, Volume 48, Number 3, March 2016*



Image courtesy of ddpavumba  
/ FreeDigitalPhotos.net

**Top Articles:**

- [Enabling direct fate conversion with network biology](#)
- [Genes with monoallelic expression contribute disproportionately to genetic diversity in humans](#)
- [DNA methylation dynamics during B cell maturation underlie a continuum of disease phenotypes in chronic...](#)