

## Mutace genů potřebných pro TCR signalizaci u angioimunoblastické a ostatní lymfomy odvozené od folikulárních Th lymfocytů

Angioimunoblastické T lymfomy a ostatní z folikulární Th lymfocytů odvozené lymfomy představují značnou část všech periferních T lymfomů. O jejich patogenezi je však ví jen málo, což ztěžuje i vývoj léčebných postupů. Autoři studie testovali 85 pacientů, provedli sekvenaci genů rozšířenou o s TCR signalizací spojených genů. U 51 z 85 pacientů byly přítomné RHOA mutace, nejčastější byla mutace v G17V a nově objevená mutace K18N. Navíc více než polovina pacientů nesla mutace v „TCR related“ genech. Zde byla nejčastější mutace v PLCG1, CD28, PI3K elementů aj. Většina variant s TCR asociovaných genů patří mezi geny s gain-of-function, tj. aktivační mutace, dochází ke změně genového produktu, který může mít silnější efekt než původní protein. V tomto případě je pak posílena T lymfocytární aktivace. A s TCR spojené mutace korelují s časnou progresí nemocí. Je tedy patrné, že zaměření se právě na TCR signalizaci může být vhodným postupem při léčbě lymfomů vzniklých z folikulárních Th lymfocytů.

[Activating mutations in genes related to TCR signaling in angioimmunoblastic and other follicular helper T-cell-derived lymphomas](#)

*Blood, Volume 128, Issue 11, 15 September 2016*

### **Top Articles:**

- [How I treat hepatitis C virus infection in patients with hematologic malignancies](#)
- [Genetic risk factors for sclerotic graft-versus-host disease](#)
- [Marked stress dyspoiesis secondary to sepsis and extracorporeal membrane oxygenation](#)